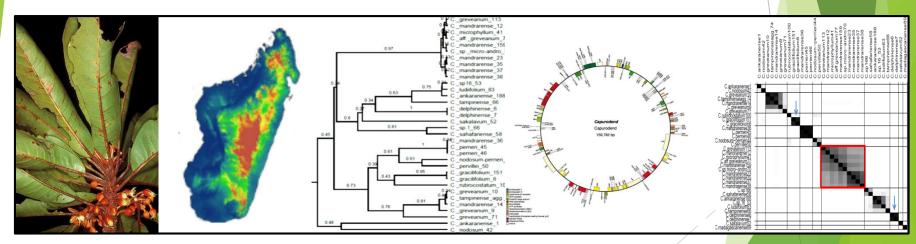
### La délimitation des espèces chez Capurodendron: Une course contre l'extinction.

Carlos G. Boluda, Camille Christe, Laurent Gautier & Yamama Naciri Conservatoire et Jardin botaniques de la Ville de Genève



Conservatoire et Jardin botaniques de la Ville de Genève 28-Mars-2019

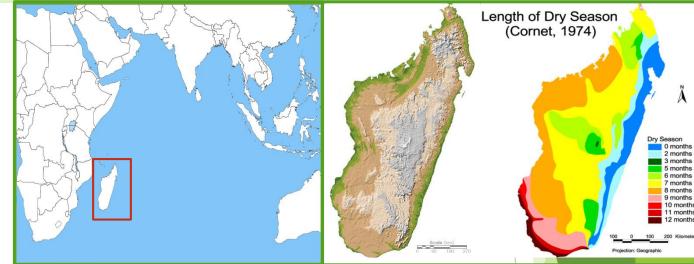


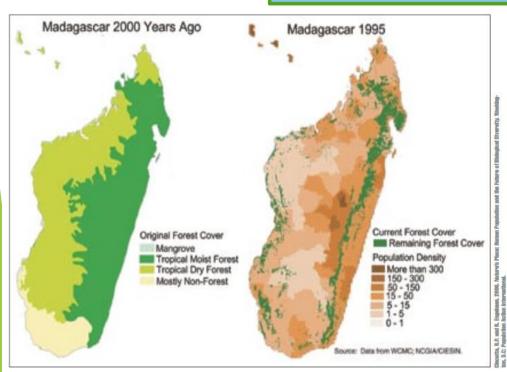




### **Madagascar:**

- -Isolé de l'Inde ~ 88 m.a. (Crétacé supérieur).
- 82% des plantes sont endémiques







Carte de la perte de forêt à Madagascar

#### Certaines espèces probablement éteintes



Sartidia perrieri



Tinopsis tampoloensis



C. nanophyllum



C. antongiliense

#### Causes principales d'extinction chez le Capurodendron



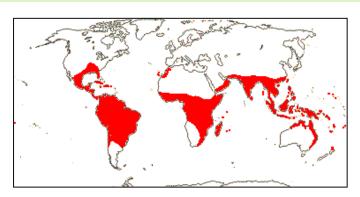
La déforestation



Abattage de bois

#### La famille Sapotaceae:

- Arbres ou arbustes tropicaux.
- Environ 1.200 espèces.
- Arbres à bois / fruits comestibles.
- Hautement représenté à Madagascar (~ 100 sp, 95% endémique).
- Peu étudié à Madagascar.





Espèce type de Sapotaceae:

Manilkara zapota



#### Certains espèces malgaches de Sapotaceae:



Faucherea littoralis sp. nov.

Labramia costata

Labramia costata

Mimusops coriacea



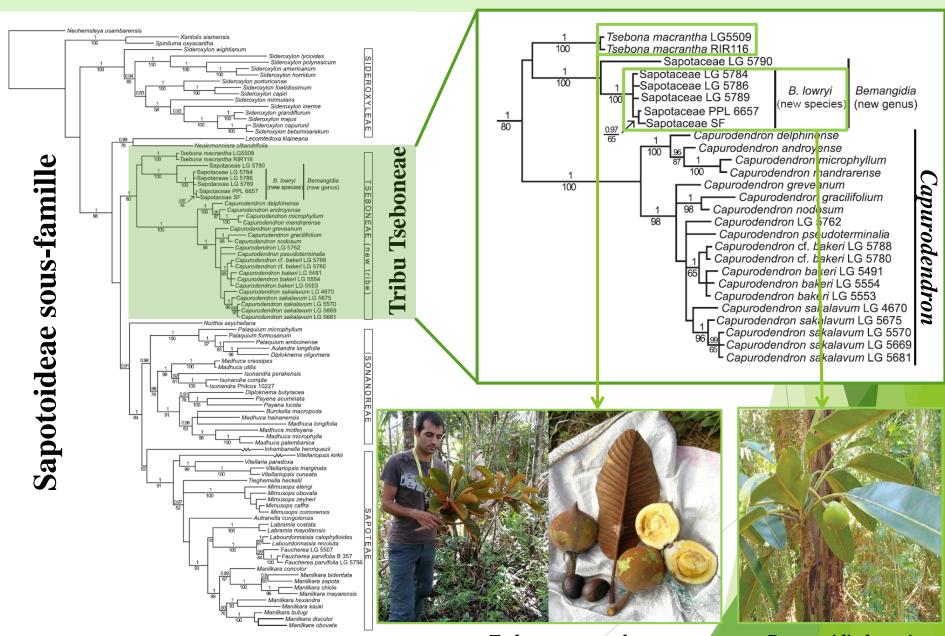
Labramia bojeri



Capurodendron androyense

Mimusops coriacea

Sideroxylon cf. betsimisarakum



C. sahafariense

### Genre Capurodendron:

 Troisième plus grand genre endémique à Madagascar (26 spp).

- Arbres, rarement arbustes.

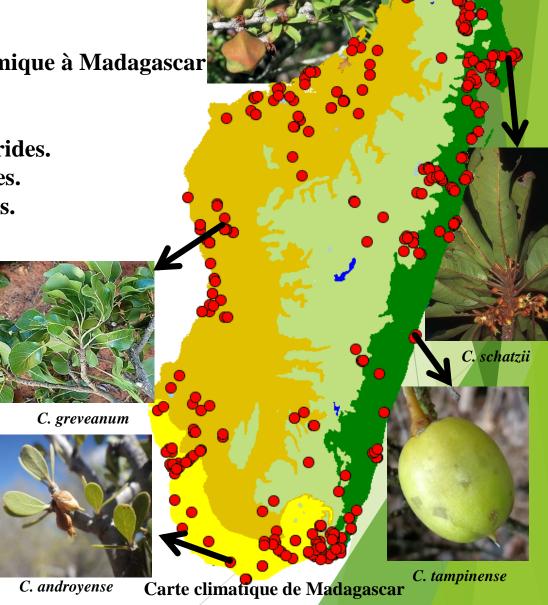
- Des jungles humides aux terres arides.

- Fleurs homogènes entre les espèces.

- Feuilles, fruits et graines variables.



C. delphinense



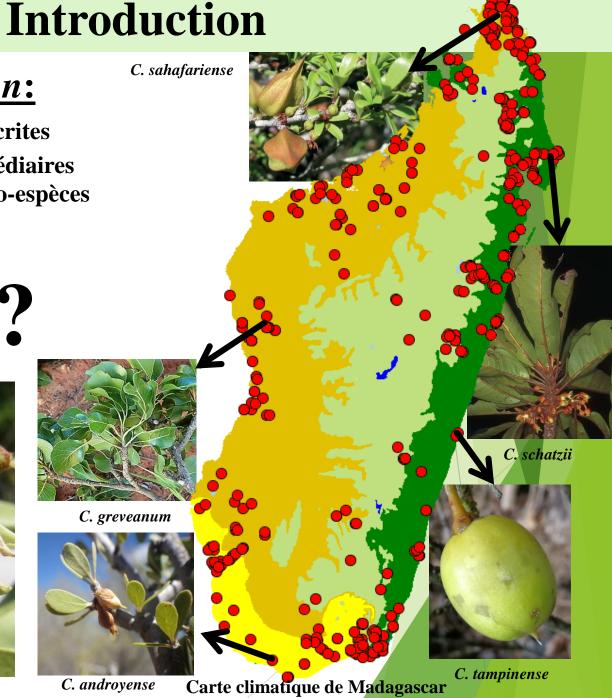
### Genre Capurodendron:

Morphologies non décrites Morphologies intermédiaires Complexes de morpho-espèces

Espèces non décrites **?**Hybridation
Spéciation en cours



C. delphinense

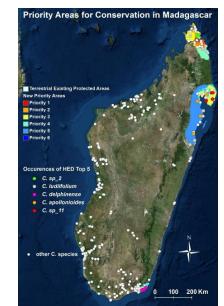


### **Objectifs principaux:**

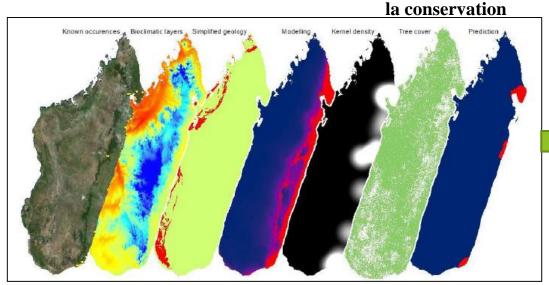
- 1° Délimiter l'espèce de *Capurodendron* utilisant la phylogénomique.

### **Objectifs principaux:**

- 1° Délimiter l'espèce de *Capurodendron* utilisant la phylogénomique.
- 2° Estimer la répartition potentielle des espèces et établir les catégories de protection de l'UICN.



Zones prioritaires pour

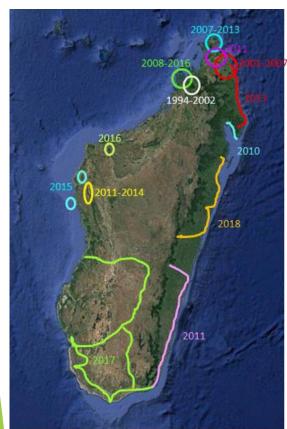


Couches de cartes climatique, géographique, dispersion, ...



Distribution potentielle, catégories IUCN

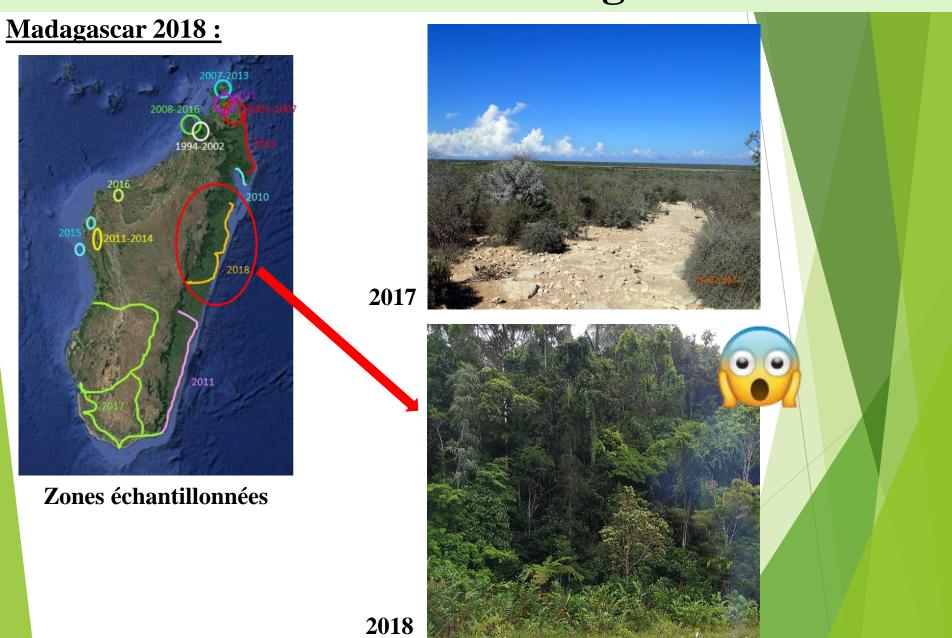
#### **Madagascar:**

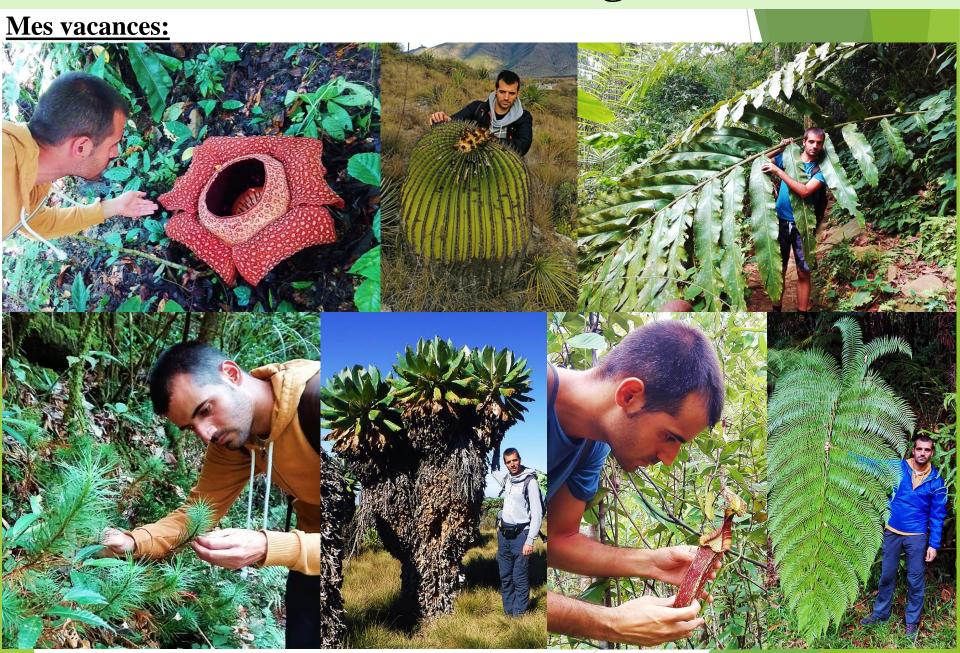


Zones échantillonnées

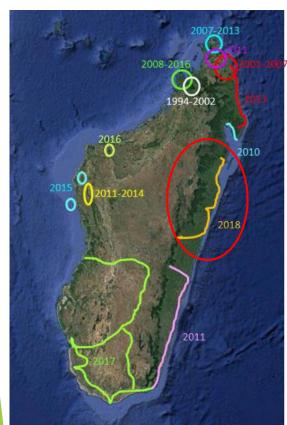


2017



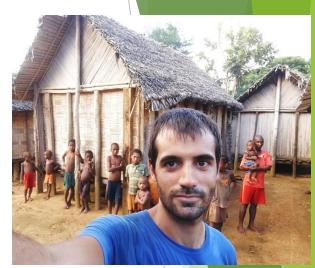


#### Madagascar 2018:



Zones échantillonnées







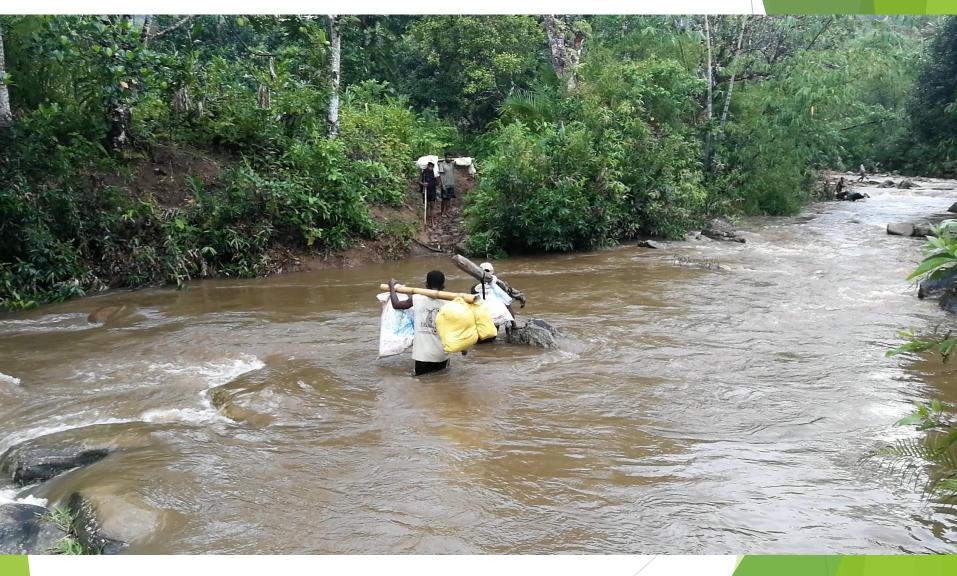
Madagascar 2018 : Atteindre les zones d'échantillonnage.







Madagascar 2018 : Atteindre les zones d'échantillonnage.



Madagascar 2018 : Atteindre les zones d'échantillonnage.



Madagascar 2018 : des champignons.





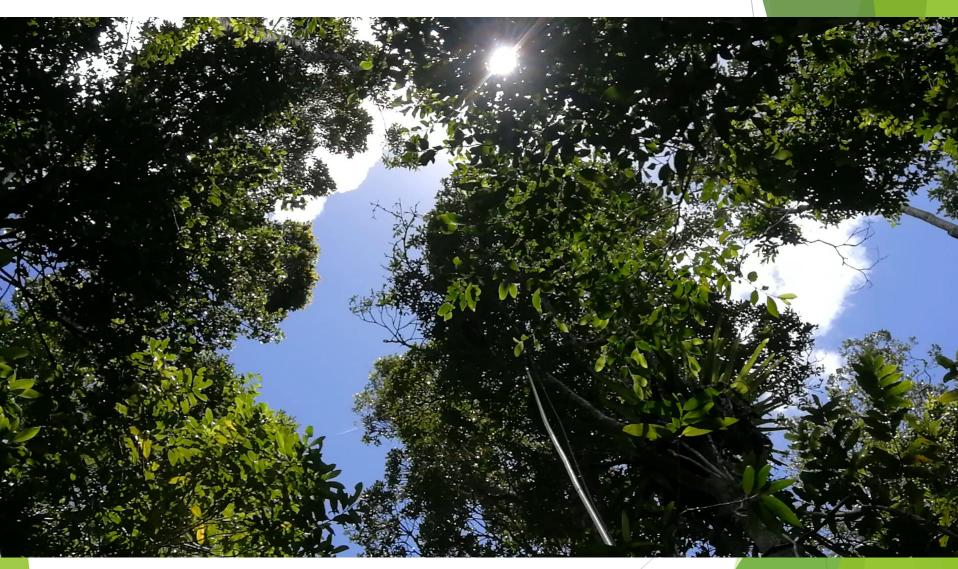








Madagascar 2018 : des animaux.



Madagascar 2018 : des plantes.





Madagascar 2018 : des plantes.



Dracaena umbraculifera, redécouvert en 2017



Stranala decussilvae ~200 individus connus





Madagascar 2018 : des plantes.





Madagascar 2018 voyage, des plantes:



Gymnosiphon sp. (Burmanniaceae)

Sciaphila sp. (Triuridaceae)

Plantes mycohétérotrophes

Seychellaria sp. (Triuridaceae)

Madagascar 2018 voyage, des plantes:



Madagascar 2018 voyage, des plantes:





Reconnaître les Sapotaceae de Madagascar



Modèle de croissance d'Aubréville



feuille entière

Labramia bojeri



feuilles jamais opposées



Latex blanc toujours présent



Reconnaître les Sapotaceae de Madagascar





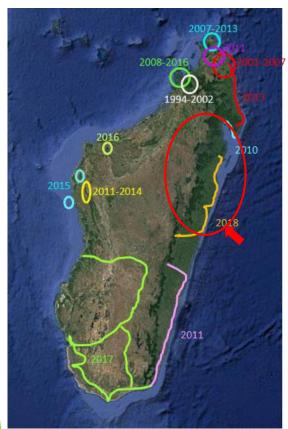


Madagascar voyage 2018:





#### Madagascar voyage 2018:



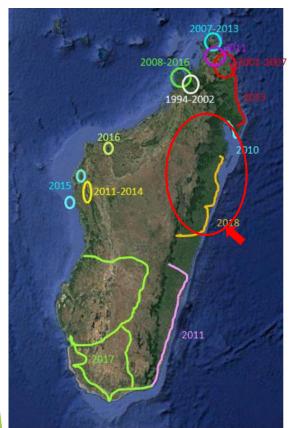
Zones échantillonnées

362 spécimens collectés, ~25 morpho-espèces non décrites de Sapotaceae d'une seule expédition



Séchage des échantillons

#### Madagascar voyage 2018:



Zones échantillonnées

362 spécimens collectés, ~25 morpho-espèces non décrites de Sapotaceae d'une seule expédition

#### Capurodendron cf. sp. nov.









## Obtention de séquences:

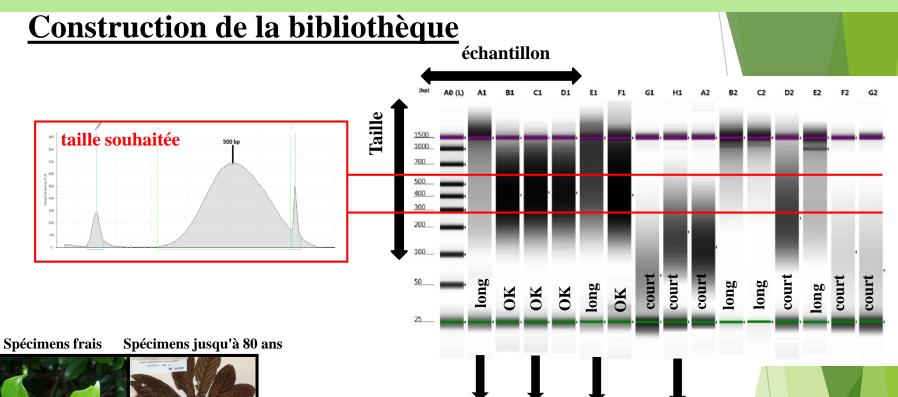




#### 281 spécimens:

239 ingroup

42 outgroup



2010

2018

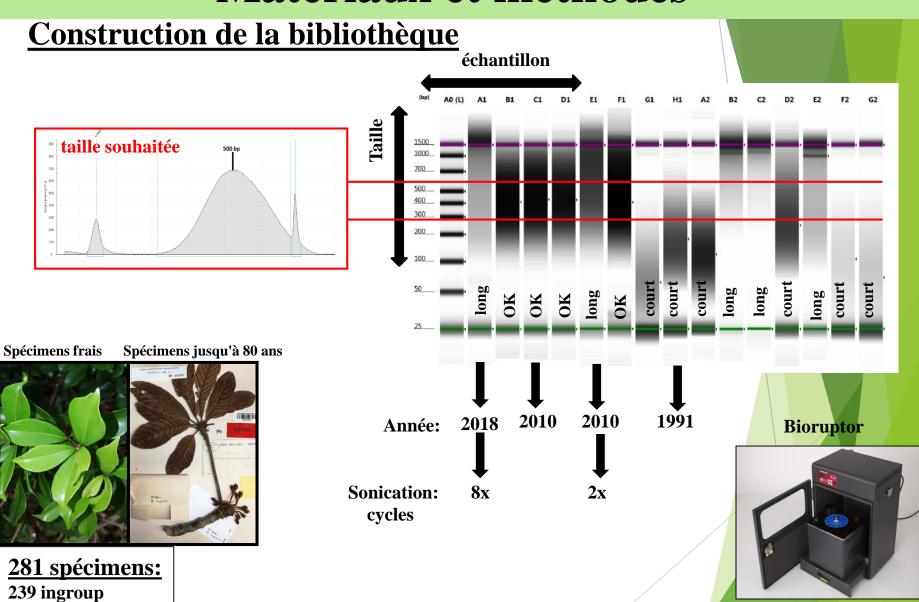
Année:

2010

1991

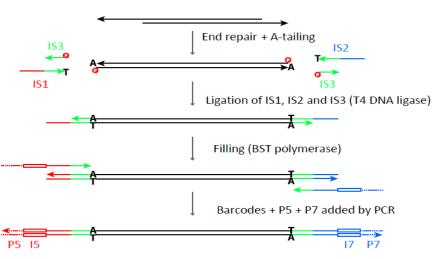


281 spécimens: 239 ingroup 42 outgroup



42 outgroup

#### Construction de la bibliothèque

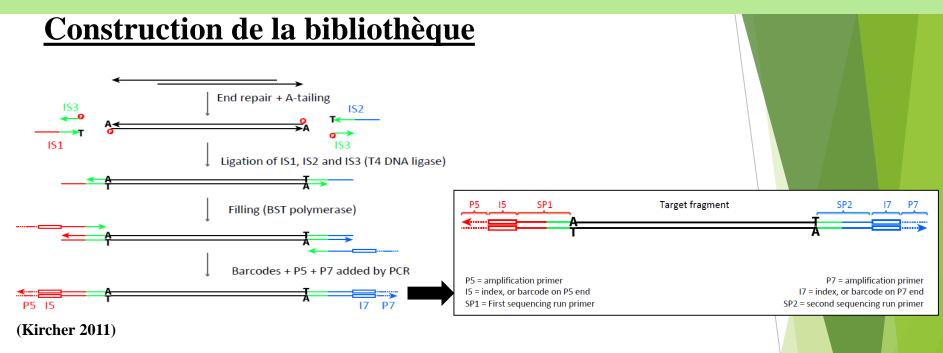


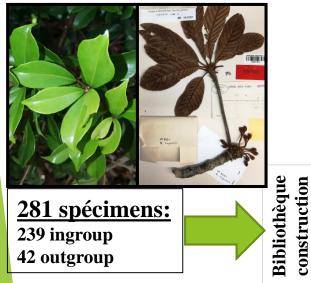
(Kircher 2011)



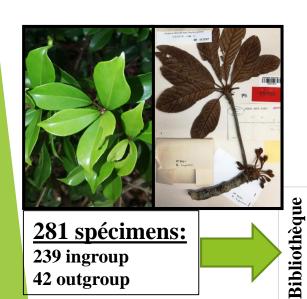
#### 281 spécimens:

239 ingroup 42 outgroup





## Baits désign



construction

## Baits désign

#### Nouvellement séquencé génomes



Bemangidia lowryi
81 million de
lectures
20x – 40x

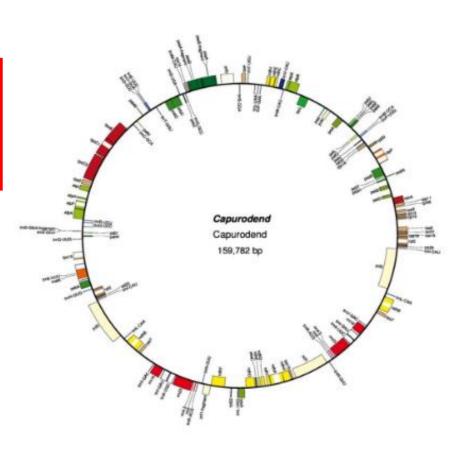


C. delphinense
51 million de
lectures
2x – 20x

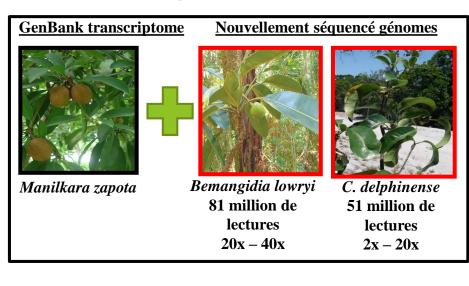


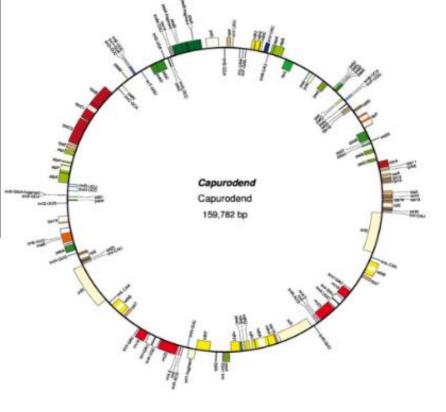
281 spécimens: 239 ingroup 42 outgroup





## Baits désign



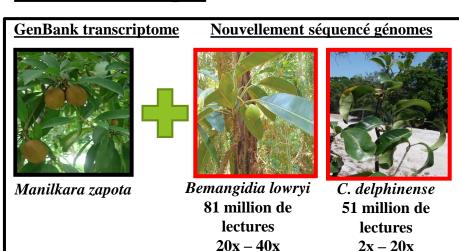




281 spécimens: 239 ingroup 42 outgroup

Bibliothèque construction

### Baits désign



<u>Baits:</u> petites séquences d'ADN complémentaires d'un loci qui nous permettent de capturer ces loci à partir d'une solution d'ADN génomique par hybridation.

#### Baits conçu pour:

227 microsatellites Complexes d'espèces

532 gènes de *Tseboneae* Espèce

262 gènes d'angiospermes Genre (Johnson et al. 2018)

Baits désign



Baits pour 1020 loci

793 gènes

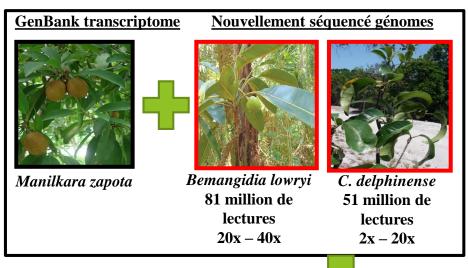
227 microsatellites

281 spécimens: 239 ingroup

42 outgroup

Bibliothèque construction

## Capture de gènes



Baits désign



281 spécimens:

239 ingroup42 outgroup

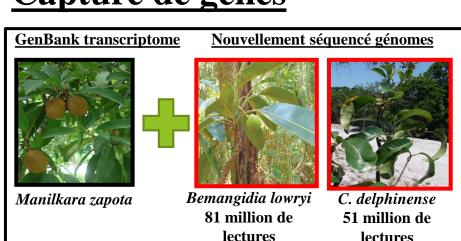
Baits pour 1020 loci 793 gènes

227 microsatellites

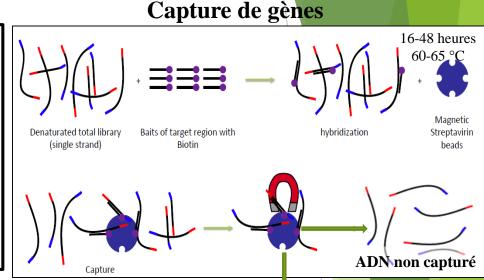
Bibliothèque construction

Capture de gènes

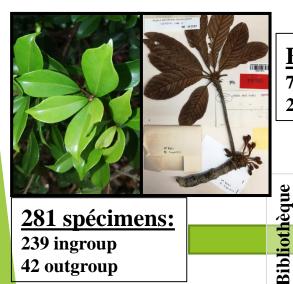
## Capture de gènes



20x - 40x



(Kircher 2011)



281 spécimens: 239 ingroup

42 outgroup

Baits désign

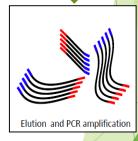
lectures

2x - 20x

#### Baits pour 1020 loci

793 gènes 227 microsatellites

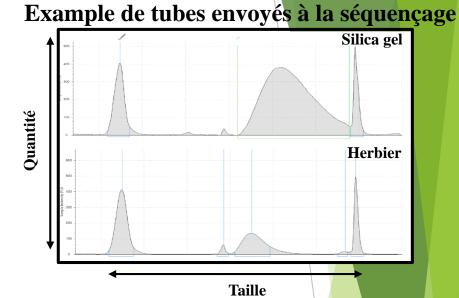
gènes construction



Gènes capturés

### **Séquençage**

# GenBank transcriptome Nouvellement séquencé génomes Manilkara zapota Bemangidia lowryi 81 million de lectures 20x - 40x 2x - 20x

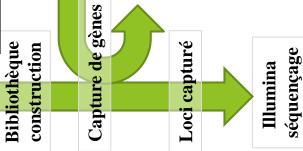


(Kircher 2011)



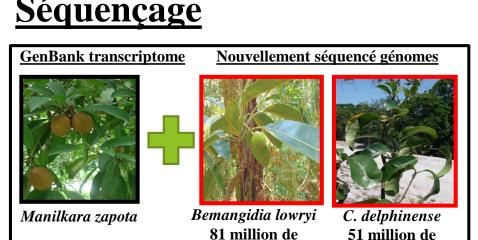
281 spécimens: 239 ingroup 42 outgroup Baits désign

#### Baits pour 1020 loci 793 gènes 227 microsatellites



Nombre de copies

# **Séquençage**



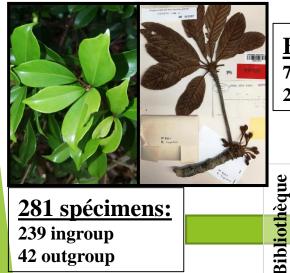
lectures

20x - 40x

Baits désign

lectures

2x - 20x



281 spécimens: 239 ingroup

42 outgroup

#### Baits pour 1020 loci

793 gènes 227 microsatellites

construction

gènes capturé séquençage Illumina Capture

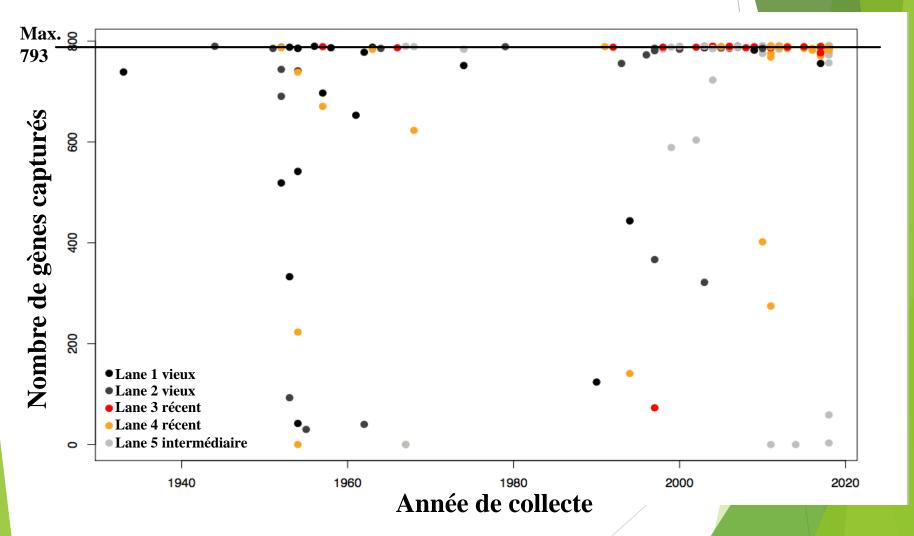
exemple des séquences

Gene 1

Gene 2

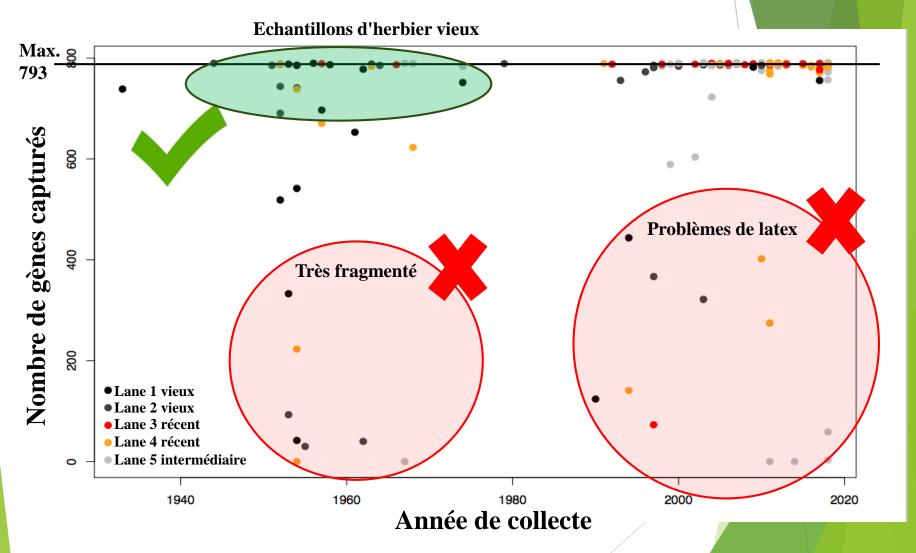
Séquences pour analyses **phylogénomiques** 

#### Efficacité de la capture des gènes



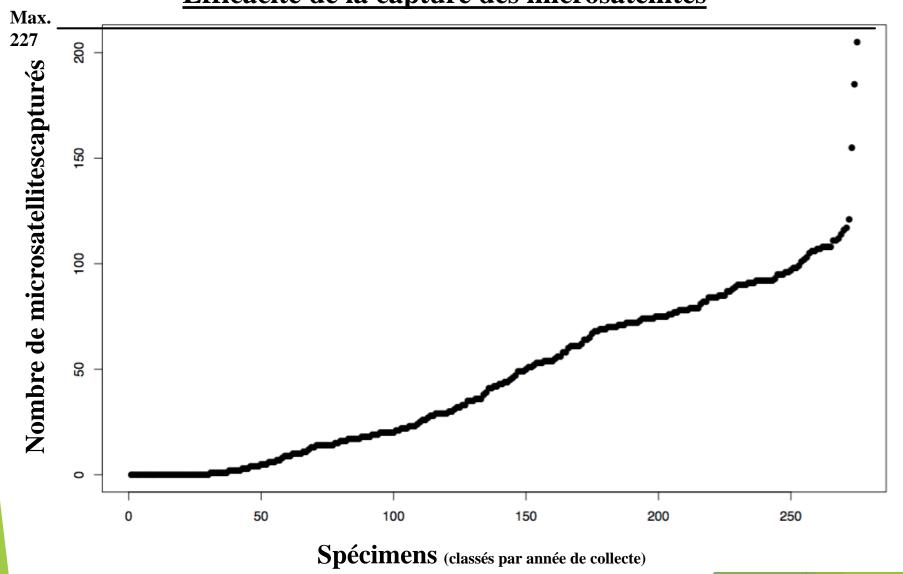
La capture de gènes est efficace dans les échantillons frais et anciens

#### Efficacité de la capture des gènes



La capture de gènes est efficace dans les échantillons frais et anciens

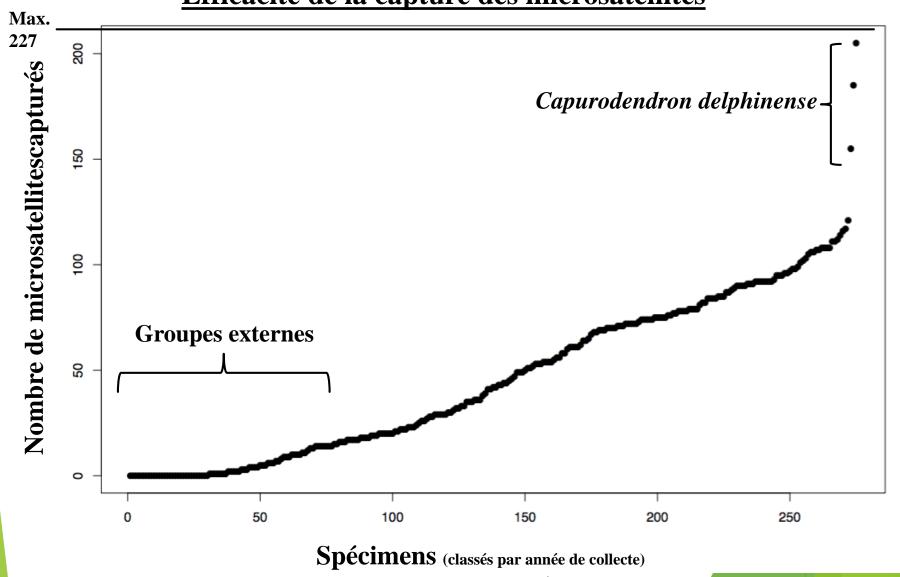




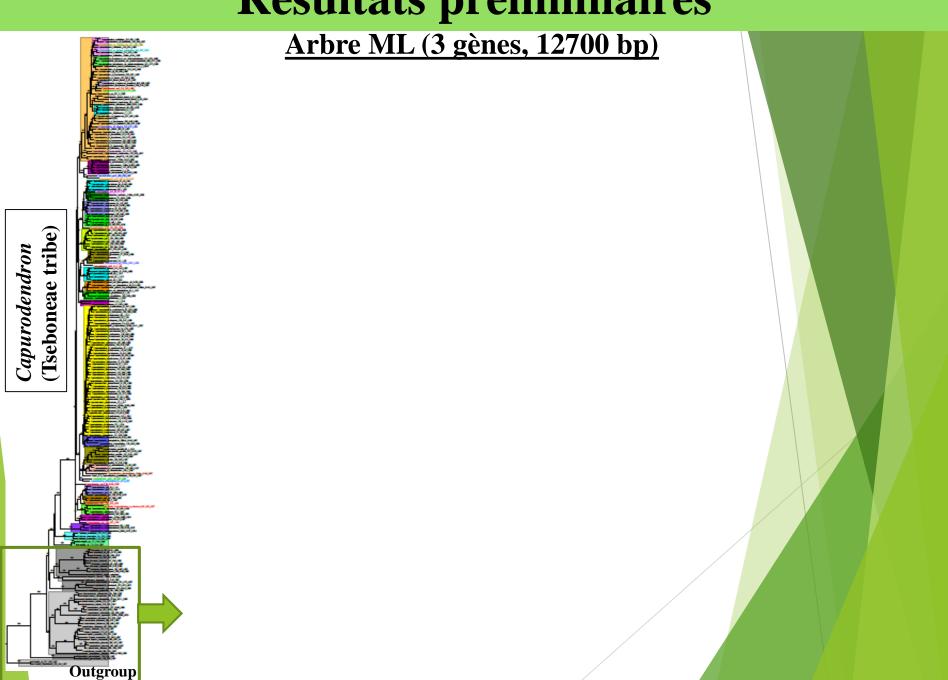
Moins efficace que la capture des gènes

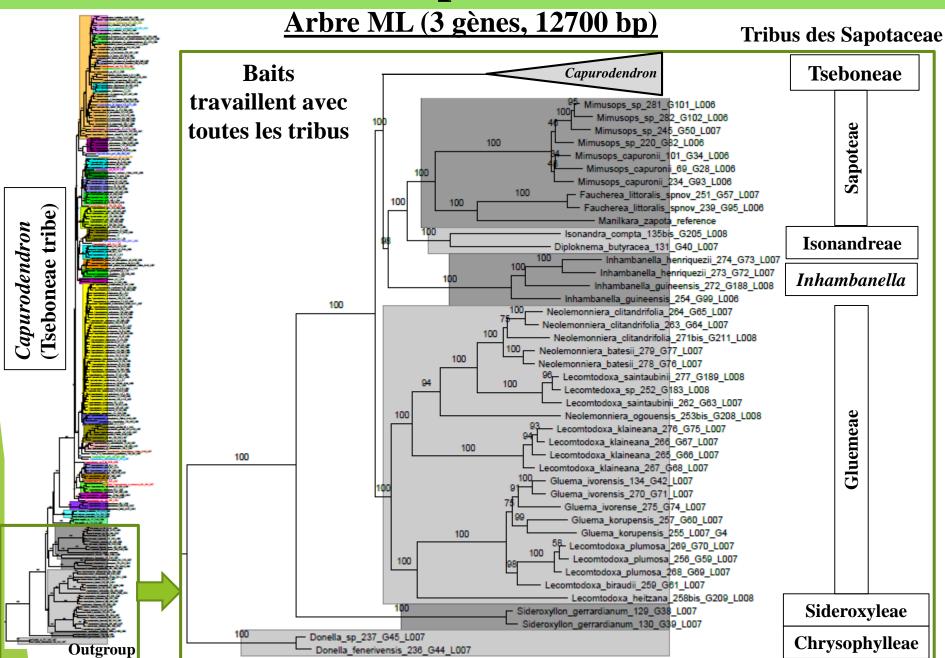
Séquences hautement variables

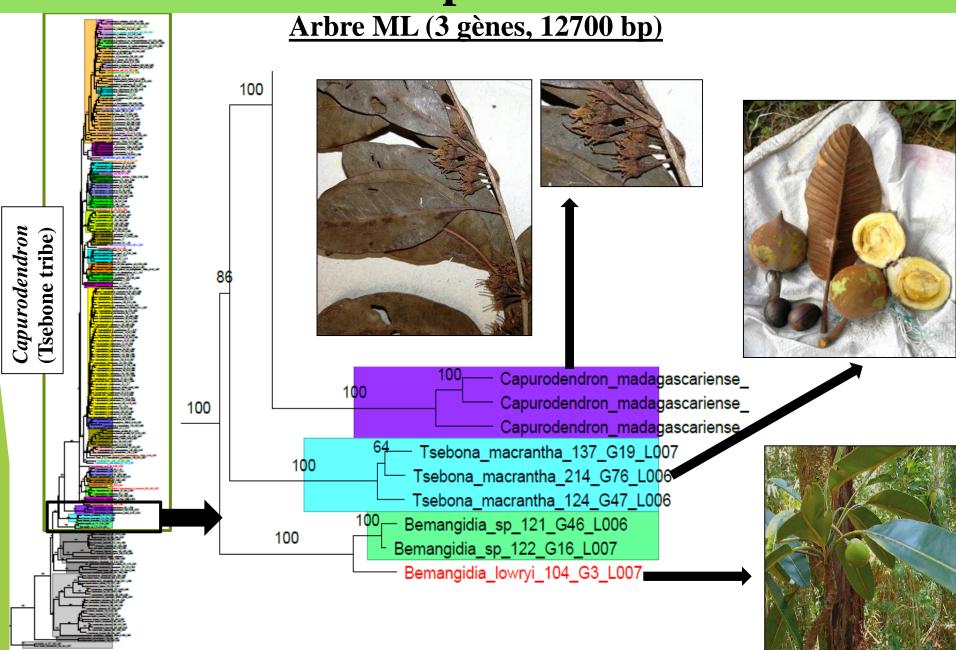




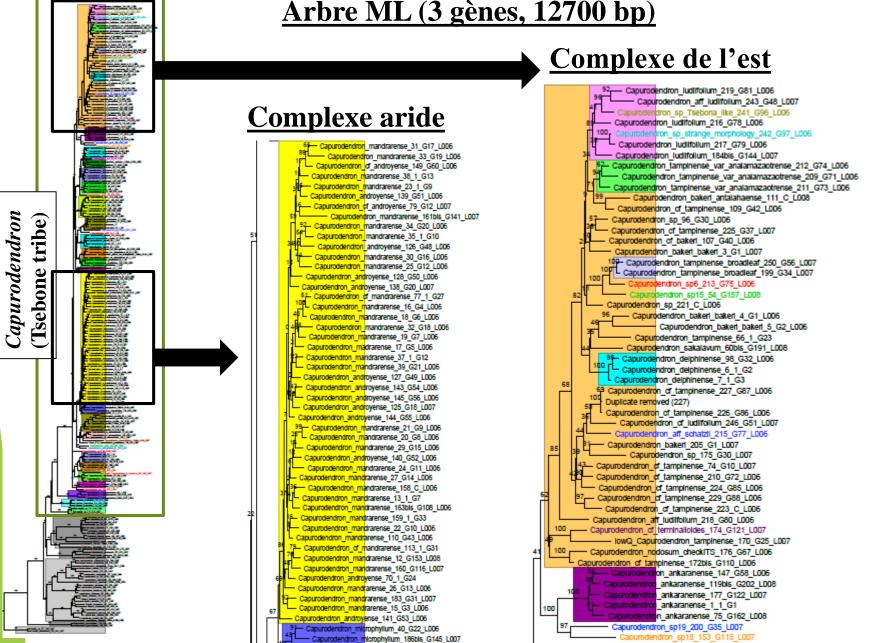
Moins efficace que la capture des gènes Séquences hautement variables







Arbre ML (3 gènes, 12700 bp)



Arbre ML (3 gènes, 12700 bp)



Capurodendron (Tsebone tribe)

~ 49 clades/morphologies candidats pour des taxons de niveau spécifique



Seulement 26 espèces décrites

Arbre ML (3 gènes, 12700 bp)

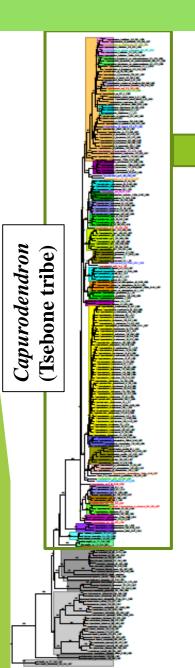


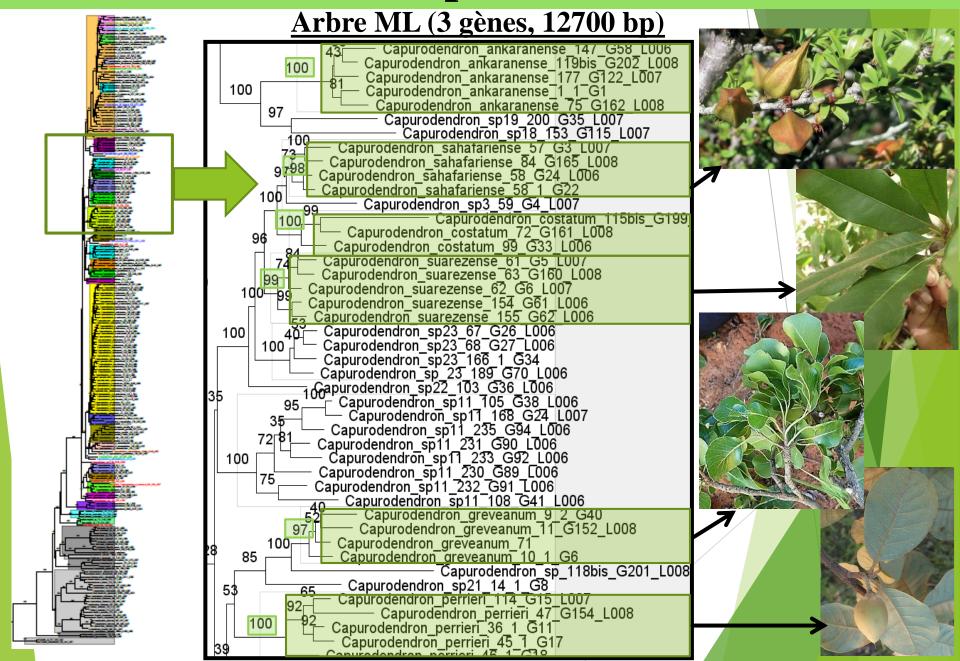
Seulement 26 espèces décrites

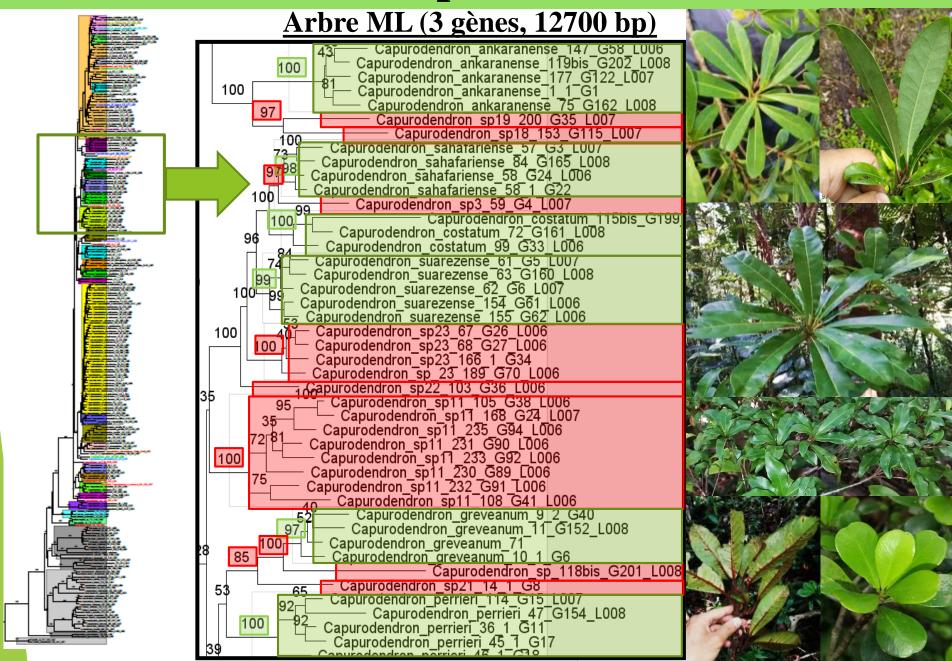
23 nouvelles espèces?

+

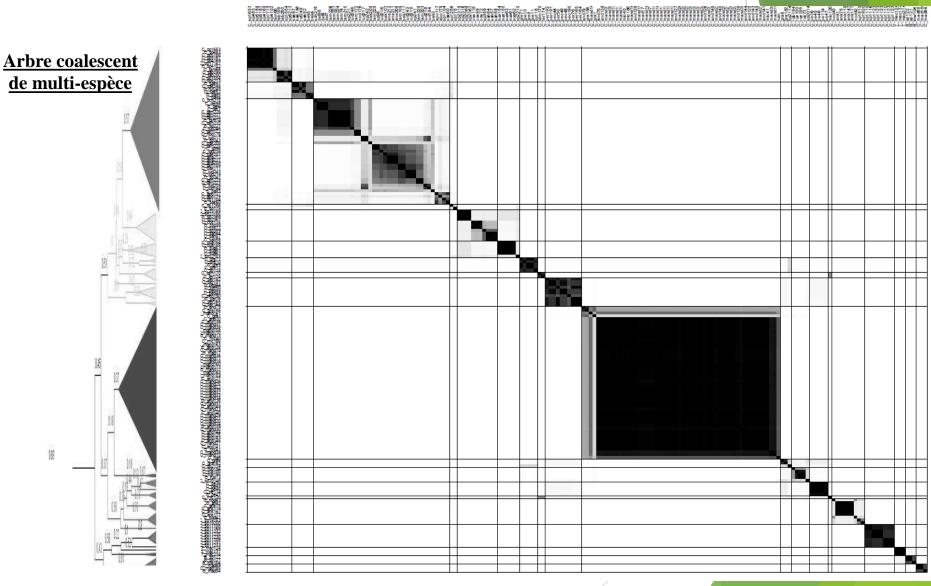
Morphologies non analysées dans ce phylogénie



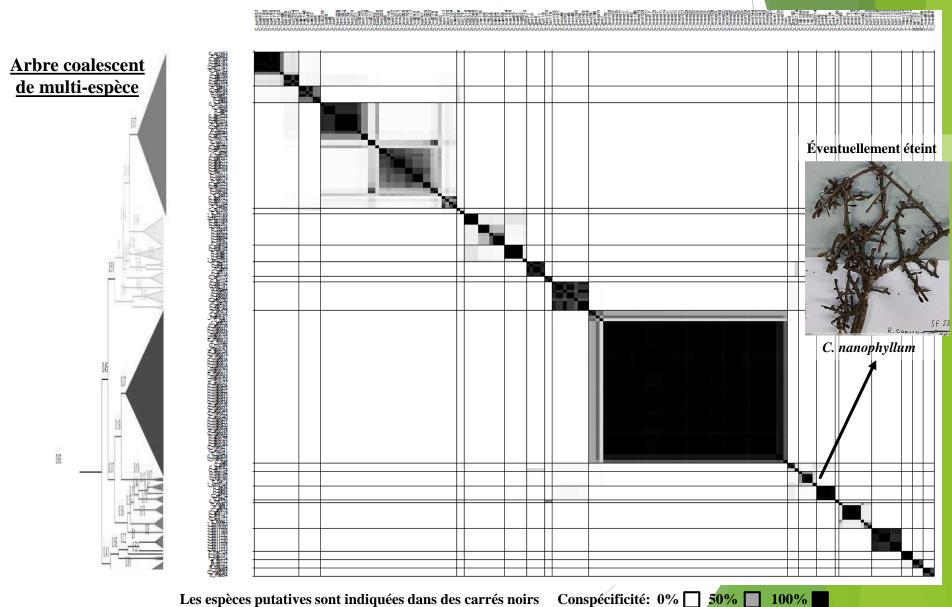




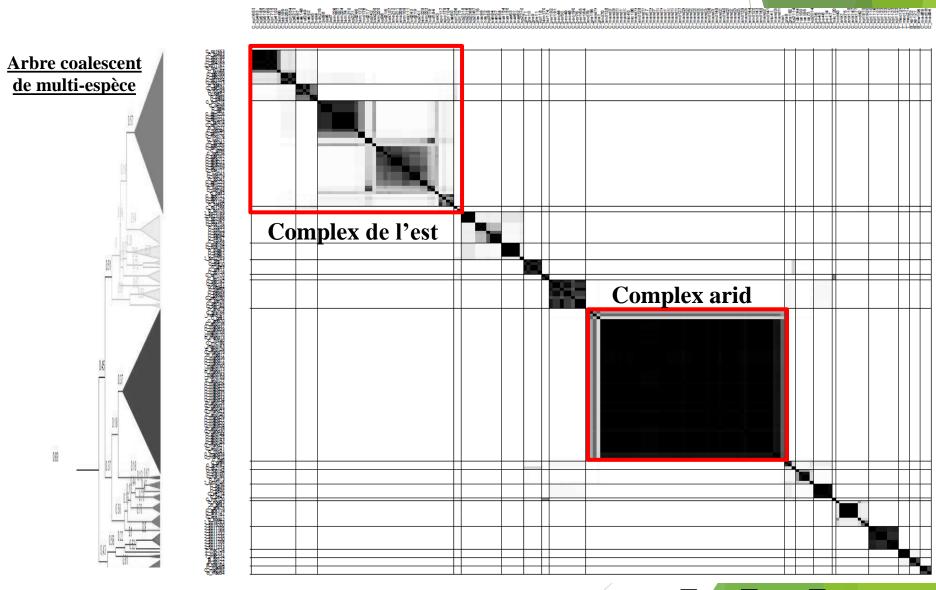
#### STACEY analyse de délimitation des espèces



#### STACEY analyse de délimitation des espèces

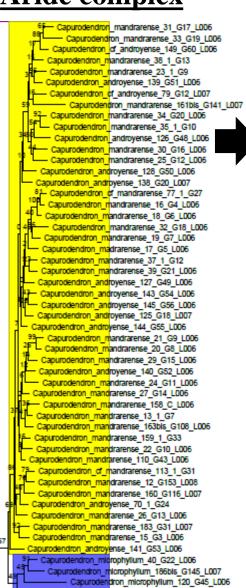


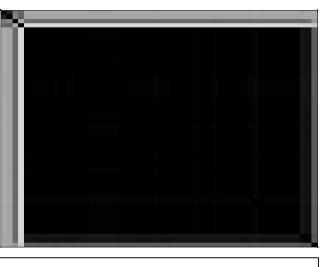
#### STACEY analyse de délimitation des espèces



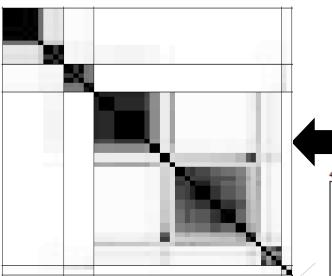
#### STACEY analyse de délimitation des espèces

**Aride complex** 

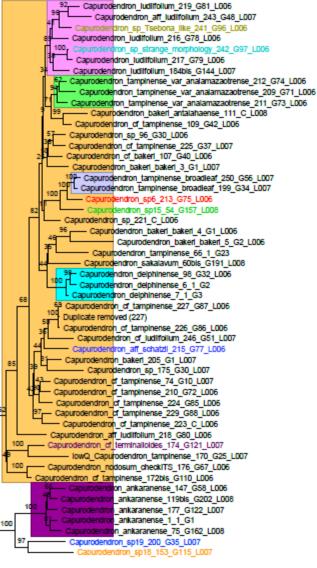




Les microsatellites peuvent aider à la délimitation des espèces



**Est complex** 



#### Délimitation préliminaire d'espèces à l'aide de microsatellites

Utilisant 30 microsatellites et analyses bayésiennes:

Complex aride: Une"espèce".

Conspécifique???

**Hybridation???** 



Capurodendron mandrarense



Capurodendron androyense

# STRUCTURE (k6) dans le complexe aride Résultats de

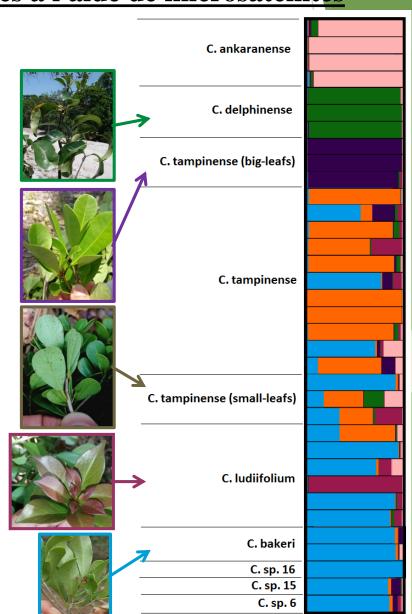
# Résultats préliminaires

#### Délimitation préliminaire d'espèces à l'aide de microsatellites

Utilisant 30 microsatellites et analyses bayésiennes:

 Complex Est: Groupe d'espèces avec des niveaux élevés d'adjuvant

> Tailles d'échantillonnage non équilibrées Hybridation???



## Conclusions preliminaires

- La capture de gènes fonctionne bien chez toutes les Sapotaceae et avec de vieux spécimens d'herbier.
- Capurodendron contient de nombreuses espèces non décrites.
- Deux complexes d'espèces présentant une discordance entre phénotypes et génotypes: Hybridation ou tri de lignage incomplet?
- Les microsatellites pourraient ne pas être aussi utiles que prévu.



### Remerciements



Yamama Naciri



**Laurent Gautier** 





Camille Christe







Fondation

Ernst et Lucie Schmidheiny

# Gracias!

